

ỨNG DỤNG GIẢI TRÌNH TỰ GEN *rbcL* và *trnL-trnF* TRONG NGHIÊN CỨU PHÂN LOẠI HỌ XOÀI (ANACARDIACEAE) Ở VIỆT NAM

Nguyễn Xuân Quyền, Trần Thị Phương Anh, Nguyễn Thế Cường

TÓM TẮT

Trong hệ thực vật Việt Nam, họ Xoài (Anacardiaceae) được ghi nhận có 66 loài và dưới loài, phân bố ở khắp cả nước. Mặc dù đã có nhiều nghiên cứu phân loại họ Xoài ở nước ta dựa trên các đặc điểm hình thái, nhưng đến nay chưa ghi nhận nhiều các nghiên cứu phân loại họ Xoài dựa trên các bằng chứng sinh học phân tử. Trong nghiên cứu này, trình tự gen *rbcL*, *trnL-trnF* có độ dài khoảng 600 bp và 1000 bp của 25 mẫu nghiên cứu các loài họ Anacardiaceae được giải mã. Sơ đồ cây phát sinh chủng loại họ Anacardiaceae ở Việt Nam được xây dựng theo phương pháp Neighbor – Joining (NJ). Thành phần base vùng gen *rbcL*, *trnL-trnF* của các loài, sự khác nhau giữa các cặp loài dựa trên cơ sở phân tích theo mô hình Kimura 2 tham số. Sơ đồ hình cây phát sinh chủng loại theo phương pháp NJ và Maximum Likelihood (ML) được tiến hành trên phần mềm MEGA7 và Paup với giá trị Bootstrap là 1.000. Dựa trên sơ đồ được xây dựng, hệ thống phân loại họ Anacardiaceae ở Việt Nam được đề xuất gồm 4 tông, 22 chi, 66 loài và dưới loài. Khóa định loại lưỡng phân bằng các đặc điểm hình thái đến các chi thuộc họ Anacardiaceae ở Việt Nam được xây dựng dựa trên hệ thống được đề xuất trên.

Từ khoá: *Cây phát sinh, họ Xoài, phân loại, rbcL, trnL-trnF.*

Người phản biện: PGS.TS. Khuất Hữu Trung

Ngày nhận bài: 02/6/2020

Ngày thông qua phản biện: 02/7/2020

Ngày duyệt đăng: 9/7/2020