

NGHIÊN CỨU QUAN HỆ DI TRUYỀN CỦA MỘT SỐ MẪU GIỐNG HỒ TIÊU THU THẬP Ở VIỆT NAM

Trần Thị Diệu Hiền, Nguyễn Trần Quyên,
Nguyễn Quang Ngọc, Dương Thị Oanh, Khuất Hữu Trung

TÓM TẮT

Mẫu lá của 9 giống/loài hồ tiêu được thu thập tại các vùng trồng tiêu trọng điểm của Việt Nam. Sử dụng phương pháp CTAB có cải tiến để tách chiết ADN. Sản phẩm ADN được khuếch đại bằng hai đoạn môi ITS1 và ITS4. Sản phẩm PCR ITS sau khi tinh sạch, được giải trình tự tại Công ty Macrogen (Hàn Quốc). Kết quả giải trình tự được so sánh với các trình tự tương đồng trên NCBI. Tạo cây phát sinh loài bằng chương trình MEGA v5.1. Kết quả đã xác định được đoạn trình tự gen ITS1-5.8S-ITS4 của 9 mẫu giống hồ tiêu. Trong đó 8 giống thuộc loài *Piper nigrum*, với tỷ lệ nucleotit được nhận dạng (identity) từ khoảng 79% - 97%. Duy nhất mẫu M7 có trình tự ITS gần nhất với loài *Piper pendulispicum* với tỷ lệ nucleotit được nhận dạng là 73%. Hệ số tương đồng di truyền của 9 mẫu giống hồ tiêu dao động trong khoảng 67,82% đến 97,73%. Cặp mẫu M7 - M20 có mức sai khác di truyền lớn nhất với hệ số tương đồng di truyền là 67,82%. Hai mẫu M8 và M15 có hệ số tương đồng di truyền với nhau cao nhất là 97,73%. Chín mẫu giống nghiên cứu được chia thành 4 nhóm riêng biệt.

Từ khóa: *Gen Ribosom, hồ tiêu, ITS, Việt Nam.*

Người phản biện: PGS.TS. Lã Tuấn Nghĩa

Ngày nhận bài: 4/10/2019

Ngày thông qua phản biện: 5/11/2019

Ngày duyệt đăng: 12/11/2019