

**SỬ DỤNG MÃ VẠCH DNA TRONG VIỆC ĐỊNH LOẠI MẪU
CÂY DÂY TẮM CÁM(*Stixis ovata* (Korth.) Hall. f. *subsp.*
fasciculata (King) Jacobs)**

**Nguyễn Thị Thu Nga, Nguyễn Thị Mai Linh,
Phan Thị Phương Anh, Sỹ Danh Thường**

TÓM TẮT

Bài báo này, trình bày kết quả sử dụng trình tự gen *matK* và gen *trnL* để định loại mẫu cây Dây tầm cám thu thập tại xã Tân Thái - huyện Đại Từ - thành phố Thái Nguyên. Gen *matK* và *trnL* đã được phân lập thành công từ mẫu cây Dây tầm cám thu thập tại Đại Từ - Thái Nguyên. Hai đoạn gen phân lập được là gen *matK* có kích thước 699bp và *trnL* có kích thước 859 bp. Trình tự gen *matK* và *trnL* của mẫu T101 có độ tương đồng 99,14% với trình tự gen *matK* mang mã số JQ733095.1 thuộc phân loài *Stixis ovata* subsp. *fasciculata* và độ tương đồng 99,05% với trình tự gen *trnL* mang mã số JQ733136.1 cũng thuộc phân loài này. Do vậy, mẫu T101 được xác định thuộc phân loài - *Stixis ovata* subsp. *fasciculata*. Các gen mã vạch *matK* và *trnL* đủ điều kiện trở thành công cụ định danh chính xác với các mẫu Dây tầm cám tại địa phương.

Từ khóa: *DNA barcode, dây tầm cám, gen matK và gen trnL, giám định loài, mã vạch.*

Người phản biện: PGS.TS Trần Thị Thu Hà

Ngày nhận bài: 10/12/2019

Ngày thông qua phản biện: 17/12/2019

Ngày duyệt đăng: 17/12/2019