

ĐÁNH GIÁ ĐA DẠNG DI TRUYỀN MỘT SỐ QUẦN THỂ TU HẢI (*Lutraria rhynchaena*) Ở VIỆT NAM BẰNG CHỈ THỊ SNP

Thái Thanh Bình

TÓM TẮT

Tu hải là loài thủy sản nuôi có giá trị kinh tế cao. Trong nghiên cứu này, 3 loci được phát triển từ cơ sở dữ liệu SNP có tính đa dạng cao để đánh giá đa dạng di truyền các quần thể tu hải ở các tỉnh Quảng Ninh Hải Phòng và Khánh Hòa. Kết quả cho thấy 3 loci có tính đa hình. Đột biến Thymine và Cytosine được phát hiện ở hầu hết các quần thể tu hải nghiên cứu, đột biến Adenine rất ít và không thấy đột biến Guanine. Giá trị dị hợp tử quan sát và mong đợi lần lượt là 0,31 và 0,337. Trong quần thể tu hải thu ở tự nhiên thì quần thể tu hải Vân Đồn-Quảng Ninh có giá trị dị hợp tử cao nhất ($H_o = 0,422$). Có hiện tượng cận huyết xảy ra ở các quần thể tu hải ($F_{IS} = 0,1$), đặc biệt quần thể tu hải Cát Bà-Hải Phòng. Cây biểu diễn mối quan hệ giữa các quần thể cũng cho thấy các quần thể tu hải được chia thành 2 nhóm lớn: Nhóm thứ nhất gồm tu hải Vân Đồn-Quảng Ninh nuôi và tự nhiên, nhóm thứ 2 gồm các quần thể tu hải ở Hải Phòng, Khánh Hòa và Đông Xá-Quảng Ninh. Kết quả phân tích AMOVA cho thấy các quần thể tu hải tự nhiên và nuôi không có sai khác ý nghĩa ($P > 0,05$). Khác nhau lớn nhất khi so sánh giữa các cá thể khác quần thể (89,96%). Kết quả của nghiên cứu là cơ sở khoa học cho việc duy trì chất lượng các quần thể tu hải nuôi và nâng cao chất lượng giống tu hải thông qua các chương trình chọn giống.

Từ khóa: Đa dạng di truyền, SNP, tu hải.

Người phản biện: PGS. TS. Nguyễn Hữu Ninh

Ngày nhận bài: 4/11/2019

Ngày thông qua phản biện: 28/11/2019

Ngày duyệt đăng: 6/12/2019